

CLUSTAL O(1.2.4) multiple sequence alignment

```

Q2YY01|MURG_STAAB      MTKIAFTGGGTVGHVSVNLSLIP TALSQGYEALYIGSKNGIEREMIESQLPEIKYYPIS 60
Q6GGZ0|MURG_STAAR      MTKIAFTGGGTVGHVSVNLSLIP TALSQGYEVLVYIGSKNGIEREMIESQLPEIKYYPIS 60
P65481|MURG_STAAM      MTKIAFTGGGTVGHVSVNLSLIP TALSQGYEALYIGSKNGIEREMIESQLPEIKYYPIS 60
A8Z3Z7|MURG_STAAT      MTKIAFTGGGTVGHVSVNLSLIP TALSQGYEALYIGSKNGIEREMIESQLPEIKYYPIS 60
Q2FYL5|MURG_STAA8      MTKIAFTGGGTVGHVSVNLSLIP TALSQGYEALYIGSKNGIEREMIESQLPEIKYYPIS 60
*****

Q2YY01|MURG_STAAB      GKLRRYISLENAKDVFKVLKGILDARKVLKKEKPDLLFSKGGFVSVPVVIAAKSLNIPTI 120
Q6GGZ0|MURG_STAAR      GKLRRYISLENAKDVFKVLKGILDARKVLKKEKPDLLFSKGGFVSVPVVIAAKSLNIPTI 120
P65481|MURG_STAAM      GKLRRYISLENAKDVFKVLKGILDARKVLKKEKPDLLFSKGGFVSVPVVIAAKSLNIPTI 120
A8Z3Z7|MURG_STAAT      GKLRRYISLENAKDVFKVLKGILDARKVLKKEKPDLLFSKGGFVSVPVVIAAKSLNIPTL 120
Q2FYL5|MURG_STAA8      GKLRRYISLENAKDVFKVLKGILDARKVLKKEKPDLLFSKGGFVSVPVVIAAKSLNIPTI 120
*****:

Q2YY01|MURG_STAAB      IHESDLTPGLANKIALKFAKKIYTTFEETLNYLPKEKADFIGATIREDLKNGNAHSGYQL 180
Q6GGZ0|MURG_STAAR      IHESDLTPGLANKIALKFAKKIYTTFEETLNYLPKEKADFIGATIREDLKNGNAHNGYQL 180
P65481|MURG_STAAM      IHESDLTPGLANKIALKFAKKIYTTFEETLNYLPKEKADFIGATIREDLKNGNAHNGYQL 180
A8Z3Z7|MURG_STAAT      IHESDLTPGLANKIALKFAKKIYTTFEETLNYLPKEKADFIGATIREDLKNGNAHNGYQL 180
Q2FYL5|MURG_STAA8      IHESDLTPGLANKIALKFAKKIYTTFEETLNYLPKEKADFIGATIREDLKNGNAHNGYQL 180
*****:

Q2YY01|MURG_STAAB      TGFNENKKVLLVMGGSLSGSKLNSI IRENLDALLQQYQVIHLTGKGLKDNQVKKSGYIQY 240
Q6GGZ0|MURG_STAAR      TGFNENKKVLLVMGGSLSGSKLNSI IRENLDALLQQYQVIHLTGKGLKDAQVKKSGYIQY 240
P65481|MURG_STAAM      TGFNENKKVLLVMGGSLSGSKLNSI IRENLDALLQQYQVIHLTGKGLKDAQVKKSGYIQY 240
A8Z3Z7|MURG_STAAT      TGFNENKKVLLVMGGSLSGSKLNSI IRENLDALLQQYQVIHLTGKGLKDAQVKKSGYIQY 240
Q2FYL5|MURG_STAA8      TGFNENKKVLLVMGGSLSGSKLNSI IRENLDALLQQYQVIHLTGKGLKDAQVKKSGYIQY 240
*****:

Q2YY01|MURG_STAAB      EFVKEDLTDLLAITD TVISRAGSNAIYEFLTLRIPMLLVPLGLDQSRGDQIDNANHFADK 300
Q6GGZ0|MURG_STAAR      EFVKEDLTDLLAITD TVISRAGSNAIYEFLTLRIPMLLVPLGLDQSRGDQIDNANHFADK 300
P65481|MURG_STAAM      EFVKEDLTDLLAITD TVISRAGSNAIYEFLTLRIPMLLVPLGLDQSRGDQIDNANHFADK 300
A8Z3Z7|MURG_STAAT      EFVKEDLTDLLAITD TVISRAGSNAIYEFLTLRIPMLLVPLGLDQSRGDQIDNANHFADK 300
Q2FYL5|MURG_STAA8      EFVKEDLTDLLAITD TVISRAGSNAIYEFLTLRIPMLLVPLGLDQSRGDQIDNANHFADK 300
*****:

Q2YY01|MURG_STAAB      GYAKAIDEEQLTAVQILLQELNEMEQERTRIIINNMKSYEQSYTKEALFDKMIKDALN 356
Q6GGZ0|MURG_STAAR      GYAKTIDEEQLTAQILLQELNEMEQERTRIIINNMKSYEQSYTKEALFDKMIKDALN 356
P65481|MURG_STAAM      GYAKTIDEEQLTAQILLQELNEMEQERTRIIINNMKSYEQSYTKEALFDKMIKDALN 356
A8Z3Z7|MURG_STAAT      GYAKAIDEEQLTAQILLQELNEMEQERTRIIINNMKSYEQSYTKEALFDKMIKDALN 356
Q2FYL5|MURG_STAA8      GYAKAIDEEQLTAQILLQELNEMEQERTRIIINNMKSYEQSYTKEALFDKMIKDALN 356
*****:

```