

CLUSTAL O(1.2.4) multiple sequence alignment

```

Q59650|MURE_PSEAE      --MPMSLNQLFPQ----AERDLLIRELTLDSRGVVRPGDLFLAVPGGQDGRAHIADALA      53
4CVK                    MLEPLRLSQLTVALDARLIGEDAVFSAVSTDSRAIGPGELFIALSGPRFDGHDYLAEVAA      60
4CVL                    MLEPLRLSQLTVALDARLIGEDAVFSAVSTDSRAIGPGELFIALSGPRFDGHDYLAEVAA      60
4CVM                    MLEPLRLSQLTVALDARLIGEDAVFSAVSTDSRAIGPGELFIALSGPRFDGHDYLAEVAA      60
                        *: *.*.          . * : : : * : : * : * : * : * : * : * : * : * : *

Q59650|MURE_PSEAE      KGAAAVAYEAEAGELPPSDAPLIIVKGLA---AQLSAVAGRFYGEPSRGLDLIGVTGTN      110
4CVK                    KGAVAALVEREVADAP----LPQLLVRDTRAALGRLGALNRRKFTGP-----LAAMTGSS      111
4CVL                    KGAVAALVEREVADAP----LPQLLVRDTRAALGRLGALNRRKFTGP-----LAAMTGSS      111
4CVM                    KGAVAALVEREVADAP----LPQLLVRDTRAALGRLGALNRRKFTGP-----LAAMTGSS      111
                        ***.*.  * * *.      * : * : .      . : * : * : * : * : * : * : * : *

Q59650|MURE_PSEAE      GKTSVSQLVAQALDLLGER-CGIVGTLGTGFYGALESGRHTTTPDPLAVQATLATLKQAGA      169
4CVK                    GKTTVKEMLASILRTQAGDAESVLATRG-----NLNNDLGVPLTLLQLAPQH-      158
4CVL                    GKTTVKEMLASILRTQAGDAESVLATRG-----NLNNDLGVPLTLLQLAPQH-      158
4CVM                    GKTTVKEMLASILRTQAGDAESVLATRG-----NLNNDLGVPLTLLQLAPQH-      158
                        ***:* : : : * . *      . : : * *      . : * * * * *

Q59650|MURE_PSEAE      RAVAMEVSSHGLDQGRVAALGF-----DIAVFTNLSRDHLDYHGSMAYAAAKAKLF-      221
4CVK                    RSAVIE-----LGASRIGEIAYTVELTRPHVAIITNAGTAHVGEFGGPEKIVEAKGEILE      213
4CVL                    RSAVIE-----LGASRIGEIAYTVELTRPHVAIITNAGTAHVGEFGGPEKIVEAKGEILE      213
4CVM                    RSAVIE-----LGASRIGEIAYTVELTRPHVAIITNAGTAHVGEFGGPEKIVEAKGEILE      213
                        * : : : *      * . * : : : : :      . : * : * : * : * : * : * : * : * : :

Q59650|MURE_PSEAE      AWPGLRCRVINLDDDFGRRLAGEEQDSELITYSLTDSSAFLYCREA-RFGDAGIEAALVT      280
4CVK                    GLAADGTAVLNLDKAFDFTWKARASGRPLLTFSLDRPQADFRAADLQRDARGCMGFRLQG      273
4CVL                    GLAADGTAVLNLDKAFDFTWKARASGRPLLTFSLDRPQADFRAADLQRDARGCMGFRLQG      273
4CVM                    GLAADGTAVLNLDKAFDFTWKARASGRPLLTFSLDRPQADFRAADLQRDARGCMGFRLQG      273
                        . .      * : * * * * .      . . .      * : * : * *      * : : : * . . : *

Q59650|MURE_PSEAE      PHGEGLLRSPLLGRFNLSNLLAAVGAALLGLGYPLGDIILRTLPQLQGPVGRMQR-LGGGDK      339
4CVK                    VAGEAQVQLNLLGRHNVANALAAAAAAHALGVPLDGIIVAGLQALQPVKGRAVAQLTASGL      333
4CVL                    VAGEAQVQLNLLGRHNVANALAAAAAAHALGVPLDGIIVAGLQALQPVKGRAVAQLTASGL      333
4CVM                    VAGEAQVQLNLLGRHNVANALAAAAAAHALGVPLDGIIVAGLQALQPVKGRAVAQLTASGL      333
                        ** . : :      * * * * . : : * * * . *      . * * * * . : : * * * * * * * . . .

Q59650|MURE_PSEAE      PLVVVDYAHTPDALEKVLLEALRPHAAARLLCLFGCGGD-----RD-----AGKRPL      385
4CVK                    RVIDDSYNANPASMLAAIDILSGFSGRTVLV-LGDMGELGSWAEQAHREVGAYAAGKVSA      392
4CVL                    RVIDDSYNANPASMLAAIDILSGFSGRTVLV-LGDMGELGSWAEQAHREVGAYAAGKVSA      392
4CVM                    RVIDDSYNANPASMLAAIDILSGFSGRTVLV-LGDMGELGSWAEQAHREVGAYAAGKVSA      392
                        : : . *      * : : : : : * : : . : *      : * * * :      * :      * * *

Q59650|MURE_PSEAE      MAAIAERLADEVLVTDNPRTE-ASAAIADIRKGFAAADKVTFLPSPRGEAIAHLIASAA      444
4CVK                    LYAVGPLMAHAVQAFGATGRHFADQASLIG----ALATEDPTTTILIKGS-----RSAA      442
4CVL                    LYAVGPLMAHAVQAFGATGRHFADQASLIG----ALATEDPTTTILIKGS-----RSAA      442
4CVM                    LYAVGPLMAHAVQAFGATGRHFADQASLIG----ALATEDPTTTILIKGS-----RSAA      442
                        : * : .      : * . *      . . . *      . * : : * .      . : * : * : * : * : * : * * *

Q59650|MURE_PSEAE      VDDVV-LLAGKGHEDYQEIDGVRHPFSDIEQAERALAWEVPHA      487
4CVK                    MDKVVAALCGSSEESHSSVDKLAALAEHHHHHHH-----      475
4CVL                    MDKVVAALCGSSEESHSSVDKLAALAEHHHHHHH-----      475
4CVM                    MDKVVAALCGSSEESHSSVDKLAALAEHHHHHHH-----      475
                        : * . * *      * . * . . . * : : : * :      . : . . : : .

```